

INC - Institut de chimie
INSB - Institut des sciences biologiques

Rue Charles Sadron
45071 ORLEANS cedex 2
Tél. : (33) 2 38 25 55 40
Fax : (33) 2 38 63 15 17

Site > <http://cbm.cnrs-orleans.fr/>

Directrice : Eva JAKAB TOTH
cbmdir@cnrs-orleans.fr

CBM - UPR4301

Centre de biophysique moléculaire

PLATEFORME SPECTROMETRIE DE MASSE ET PROTEOMIQUE

La plateforme de Spectrométrie de Masse et Protéomique du Centre de Biophysique Moléculaire prend en charge les analyses UHR-Q-TOF (haute résolution), MALDI-TOF/TOF et nano LC-MS/MS.

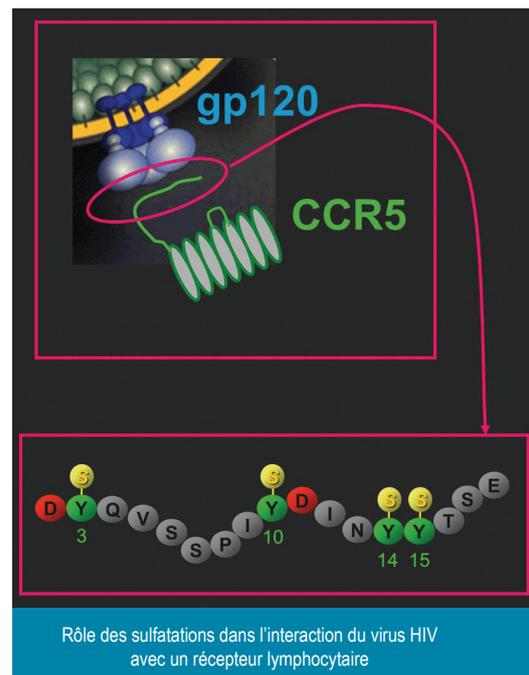
Ce service est ouvert à la communauté scientifique régionale, nationale et internationale, qu'il s'agisse de laboratoires publics (CNRS, Université,...) ou d'entreprises privées.

La plateforme est spécialisée dans l'analyse de biomolécules (protéines entières, peptides, oligonucléotides, glycanes, polymères ou petites molécules organiques) qui peuvent être pures ou dans des mélanges complexes.

Ces analyses peuvent être effectuées dans plusieurs optiques :

- Vérifier la qualité d'un produit issu de synthèse organique, de génie biologique ou d'une purification biochimique,
- Déterminer la formule brute d'un composé,
- Identifier des molécules inconnues (métabolisme, impurité...),
- Localiser des modifications post-traductionnelles ou induites des protéines,
- Identifier des protéines (protéomique).

La plateforme entretient des collaborations notamment dans la caractérisation de protéines membranaires et de complexes protéine-ligand.



Contacts

Responsable technique : **Guillaume GABANT**
guillaume.gabant@cnrs-orleans.fr
tél. : 02 38 25 54 57

Responsable scientifique : **Martine CADÈNE**
martine.cadene@cnrs-orleans.fr
tél. : 02 38 25 56 24

Moyens Expérimentaux

3 spectromètres de masse :

- 1 MALDI-TOF/TOF UltraFlex I (Bruker),
- 1 Trappe Ionique HCT Ultra-ETD (Bruker),
- 1 UHR-Q-TOF MaXis-ETD (Bruker) dans le cadre de la FR2708.

Ces spectromètres peuvent être couplés à l'une des 3 chromatographies liquides :

- CapLC (Waters),
- UHPLC U3000 et nanoUHPLC U3000 (Dionex).

Mots-clés : spectrométrie de masse, haute résolution, protéomique, caractérisation structurale, biomolécules.

Spectrométrie de Masse Haute Résolution pour la caractérisation d'anticorps

